

次世代シーケンス(NGS)解析

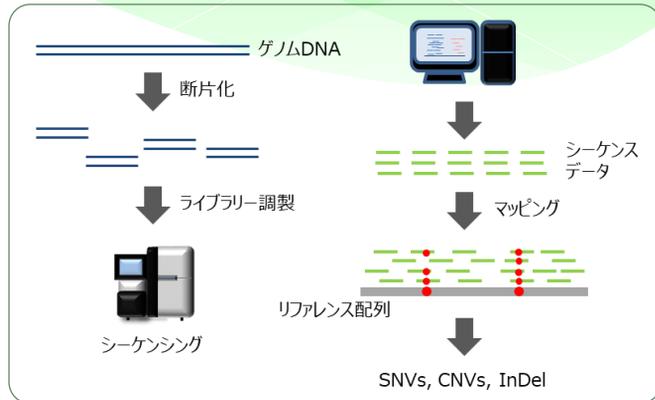
研究検査

-全ゲノムシーケンス,全エクソーム解析,ターゲットシーケンス解析, ctDNA解析-

2024年10月現在

ヒト全ゲノムシーケンス

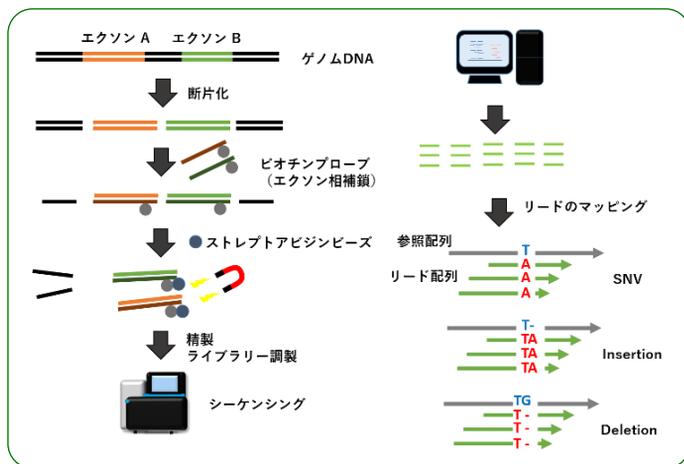
- ▶ ヒト遺伝子配列を網羅的に解析するため、遺伝情報の全体像を把握することが可能です。
- ▶ GCバイアスを最小限にした酵素法による断片化を行うことで均一なシーケンス結果を得やすいライブラリーキットを採用しております。
- ▶ iSeq 100、MiSeq、NextSeq 550、NovaSeq 6000など各種装置を有しており、データ量に合わせた適切な装置でシーケンス可能です。
- ▶ QIAGEN CLC Genomics Workbenchを用いた解析対応も可能です。



| | | |
|---------|---|----------------------|
| 材 料 | ヒトの細胞、組織、血液、抽出済みゲノムDNAなど | |
| 必 要 量 | ゲノムDNA：1 μg以上（濃度 20 ng/μL以上、液量 20 μL以上） 培養細胞：5×10 ⁵ 個以上 組織：10 mg程度 | ※ 必要量に満たない場合はご相談ください |
| デ ー タ 量 | 90 Gb相当/検体 | |
| 納 品 物 | 解析レポート、USBメモリ（FASTQファイル） | |
| 納 期 | 検体受領後 2 カ月程度 | ※納期は状況により変動することがあります |

ヒト全エクソーム解析

- ▶ ヒト遺伝子内のタンパク質翻訳領域（エクソン領域）のみをターゲットとしてシーケンスを行います。シーケンスで得られた塩基配列をリファレンスゲノム配列と照合して、エクソン上の変異（SNV (SNP) /InDel）を検出し、各種アノテーション情報を付与して結果をお返し致します。
- ▶ 増幅プライマー、キャプチャープローブが最適化されたハイブリキャプチャー法を用いるキットを採用しており、均一性の高いシーケンス結果を得ることが可能です。
- ▶ iSeq 100、MiSeq、NextSeq 550、NovaSeq 6000など各種装置を有しており、データ量に合わせた適切な装置でシーケンス可能です。



| | | |
|-------|---|----------------------|
| 材 料 | ヒトの細胞、組織、血液、抽出済みゲノムDNAなど | |
| 必 要 量 | ゲノムDNA：1 μg以上（濃度 20 ng/μL以上、液量 20 μL以上） 培養細胞：5×10 ⁵ 個以上 組織：10 mg程度 | ※ 必要量に満たない場合はご相談ください |
| 納 品 物 | 解析レポート、USBメモリ（FASTQファイル） | |
| 納 期 | 検体受領後 2 カ月程度 | ※納期は状況により変動することがあります |

ターゲットシーケンス解析

- ▶ ヒト遺伝子内における特定の遺伝子領域のみにフォーカスしてシーケンスを行います。各種測定サンプルに最適化されたパネルの選択、分子バーコード技術を用いた正確性の高いシーケンスを実現しております。
- ▶ ご要望に合わせたカスタムデザインにも対応いたします。（既存パネルに新たな対象領域を追加することも可能）

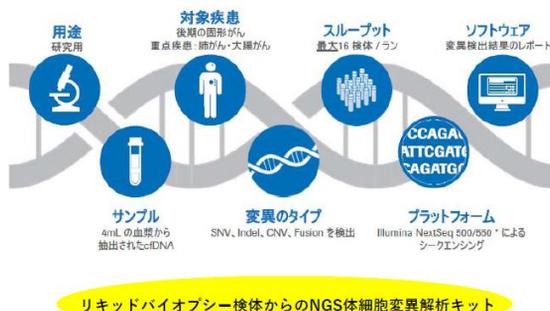
| | |
|------------------------------------|--|
| QIAseq Targeted DNA Panels | 下限値0.5%までの変異アレル頻度(VAF)の検出が可能なパネル |
| QIAseq Targeted DNA Pro Panels | FFPE修復プロトコルを含み、低頻度のアレルでもしっかり検出可能なパネル |
| QIAseq Targeted cfDNA Ultra Panels | cfDNA検体に最適化されており、均一なカバレッジで正確性の高いシーケンス結果を取得可能なパネル |
| QIAseq Targeted Methyl Panels | メチル化検出のためにデザインされており、種々のサンプルタイプ、少量のサンプルにも対応可能なパネル |

| | | |
|-------|--|---------------------------|
| 材 料 | 血液、組織、細胞、FFPE、cfDNA（血漿、血清） | |
| 必 要 量 | ゲノムDNA：200 ng以上（濃度 10 ng/μL以上、液量 20 μL以上） 培養細胞：5×10 ⁴ 個以上 組織：1 mg程度 | ※微量サンプルにも対応いたします。ご相談ください。 |
| 納 品 物 | 解析レポート、USBメモリ（FASTQファイル） | |
| 納 期 | 検体受領後 2 カ月程度 | ※納期は状況により変動することがあります |

ctDNA解析

- ▶ 血漿中ごくわずかに存在する腫瘍由来のctDNA; circulating tumor DNAから遺伝子変異を高効率に検出、解析します。分子標的治療薬の効果予測や薬剤耐性のモニタリングなどに有用な指標とされており、臨床有用性の早期確立と臨床検査としての実用化に期待が寄せられています。
- ▶ 「AVENIO ctDNA Analysis システム」は、分子バーコードとin silicoでのエラー抑制技術を組み合わせた統合デジタルエラー抑制（iDES）戦略による優れた分析性能が特徴です。後期の固形腫瘍（肺がん、大腸がんなど）の患者を主なターゲットとし、血漿検体（リキッドバイオプシー）から4種類の遺伝子変異（SNV, Indel, CNV, Fusion）を調べることができます。

AVENIO ctDNA Analysis Kit



| | | |
|-------------------------------|--|----------------------|
| 検 査 項 目 (ご要望に合わせてご提案いたします) | AVENIO ctDNA Targeted kit (NCCNガイドライン17遺伝子) | |
| | AVENIO ctDNA Expanded kit (NCCNガイドライン+臨床研究対象遺伝子 77遺伝子) | |
| | AVENIO ctDNA Surveillance kit (NCCNガイドライン+腫瘍量モニタリング関連遺伝子 197遺伝子) | |
| 材 料 | 血漿（当社指定採血管の使用を推奨） | |
| 必 要 量 | 血漿 4 mL | |
| 納 品 物 | 解析レポート | |
| 納 期 | 検体受領後2カ月程度 | ※納期は状況により変動することがあります |

お問い合わせ



KPSL
九州プロサーチLLP

〒819-0388
福岡県福岡市西区九大新町4-1
九州プロサーチ有限責任事業組合
<https://kpsl.jp/>